


Modulinformationen

Elementtyp	Modul
Empfohlenes FS	2
Nummer	1906-440
Studiengänge	M.Sc. Biologie (2. Semester, Wahlpflicht) M.Sc. Agrarbiologie (2. Semester, Wahlpflicht)
Zuständigkeiten	Armin Huber
Einrichtungen	Verantwortlicher: Fg. Biochemie (190f)

Zugehörige Lehrveranstaltungen

Veranstaltungsname	Belegungstyp	SWS	
Methoden der Proteinforschung, Proteomics; Vorlesung		1	
Methoden der Proteinforschung, Proteomics; Übung		3	

Modulbeschreibung

Credits	7,5
Studienleistung und Gewichtung	Versuchsprotokolle
Modulprüfung und Gewichtung	Klausur (100%)
Lern- und Qualifikationsziele	<p>Ziel des Moduls ist, dass die Studierenden nach dessen Abschluss in der Lage sind,</p> <ul style="list-style-type: none"> - die theoretischen Grundlagen von aktuellen Methoden der Proteomanalytik wiederzugeben. - 2D-DIGE Experimente durchzuführen und quantitativ auszuwerten. - Proben für die massenspektrometrische Analyse mittels MALDI-TOF und LC-ESIMS vorzubereiten. - Proteine mittels Massenspektrometrie zu identifizieren - posttranslationalen Proteinmodifikationen mittels Massenspektrometrie zu identifizieren - Massenspektren zu interpretieren und Ergebnisse von Datenbanksuchen zu bewerten. <p>Ziel des Moduls ist, dass die Studierenden nach dessen Abschluss in der Lage sind,</p> <ul style="list-style-type: none"> - anspruchsvolle wissenschaftliche Experimente durchzuführen. - Versuchsergebnisse präzise zu dokumentieren und zu präsentieren.
Benotung (unbenotet/benotet)	benotet
Arbeitsaufwand (in Stunden)	225
Prüfungsdauer (in Minuten)	120

Lehrsprache	deutsch
Moduldauer	4 Wochen (Block 3)
Präsenzstudium (in Stunden)	75
Selbststudium (in Stunden)	150
Anmerkungen	Anzahl Teilnehmerplätze: 8 Anmeldung zum Modul: über ILIAS Anmeldezeitraum: Beginn der Vorlesungszeit im Wintersemester Kriterien, nach denen Studienplätze vergeben werden: Reihenfolge der Anmeldung Modulnummer bis Sommersemester 2022: 2303-440
Angebotshäufigkeit	jedes SS